

Animal : **Reefton Nuance de la Fleur de Vie**

N° d'identification : **250 269 590 270 368**

Race : **Altdeutsche Schäferhunde**

Sexe : **Mâle**

Date de naissance :

Résultat établi le : 02/09/2022

Propriétaire : **Camille THEUBET**

N° de prélèvement : **E00806674** (prélevé le 12/08/2022)

Code résultat : **A00009398**

Prélèvement effectué par :

Séverine GARRAUD (Vétérinaire - N° d'ordre : 16138)

Document établi le : 02/09/2022

| MALADIES | GÈNE Mutation | Mode d'expression | RÉSULTAT | EXPRESSION | TRANSMISSION |
|-----------------------------------|--------------------------|------------------------|--------------------------|------------|--------------|
| Myélopathie Dégénérative (DM) | SOD1 c.118G>A | Autosomique récessif | Homozygote normal | ✓ | ✓ |
| Nanisme Hypophysaire | LHX3 7pb del intron 5 | Autosomique récessif | Homozygote normal | ✓ | ✓ |
| Hyperuricosurie (HUU) | SLC2A9 c.616G>T | Autosomique récessif | Homozygote normal | ✓ | ✓ |
| Sensibilité Médicamenteuse (MDR1) | MDR1 c.227_230delATAG | Autosomique codominant | Homozygote normal | ✓ | ✓ |

EXPLICATIONS

Homozygote normal : l'animal possède 2 copies normales du gène.

Hétérozygote : l'animal possède une copie normale et une copie défectueuse du gène.

Homozygote muté : l'animal possède 2 copies défectueuses du gène.



EXPRESSION

L'animal ne développera pas la maladie associée à la mutation testée.

L'animal développera la maladie sans pouvoir prédire l'âge d'apparition ni la gravité des symptômes.

TRANSMISSION

L'animal ne transmet pas la mutation testée.

L'animal transmettra la mutation testée à tout ou partie de sa descendance. La reproduction est à éviter ou à adapter selon la maladie et la fréquence associée.

Animal : **Reefton Nuance de la Fleur de Vie**

 N° d'identification : **250 269 590 270 368**

 Race : **Altdeutsche Schäferhunde**

 Sexe : **Mâle**

Date de naissance :

Résultat établi le : 02/09/2022

 Propriétaire : **Camille THEUBET**

 N° de prélèvement : **E00806674** (prélevé le 12/08/2022)

 Code résultat : **A00009398**

Prélèvement effectué par :

Séverine GARRAUD (Vétérinaire - N° d'ordre : 16138)

Document établi le : 02/09/2022

CARACTÈRES MORPHOLOGIQUES

| | GÈNE Mutation | Mode d'expression | RÉSULTAT |
|--|-------------------------|------------------------------------|--|
| Locus A - Agouti | | | |
| a | ASIP c.286C>T | Autosomique récessif | a^w/a^w |
| A ^y | ASIP c.244G>T/248G>A | Autosomique dominant | a^w/a^w |
| Locus B - Marron | | | |
| b ^a | TYRP1 c.555T>G | Autosomique récessif | B/B |
| b ^c | TYRP1 c.121T>A | Autosomique récessif | B/B |
| b ^d | TYRP1 c.1033_1035del | Autosomique récessif | B/B |
| b ^e | TYRP1 c.1025T>G | Autosomique récessif | B/B |
| b ^s | TYRP1 c.991C>T | Autosomique récessif | B/B |
| Locus D - Dilution | | | |
| d | MLPH c.-22G>A | Autosomique récessif | D/D |
| d ² | MLPH c.705G>C | Autosomique récessif | D/D |
| d ³ | MLPH c.667_668insC | Autosomique récessif | D/D |
| Locus E - Extension | | | |
| e | MC1R c.916C>T | Autosomique récessif | E/E |
| e ² | MC1R g.63695679C>G | Autosomique récessif | E/E |
| e ³ | MC1R c.816_817delCT | Autosomique récessif | E/E |
| E ^m | MC1R c.790A>G | Autosomique dominant | E^m/E |
| Locus I - Intensité (i) | | | |
| | MFSD12 c.151C>T | Autosomique récessif | Faible voire absence du fauve (i/i) |
| Locus K - Noir Dominant (K^s) | | | |
| | CBD103 c.231_233del | Autosomique dominant | Non exprimé (k^y/k^y) |
| Poil Bouclé ou Ondulé (c¹) | | | |
| | KRT71 c.451C>T | Autosomique dominant | Non porteur (C/C) |
| Polydactylie | | | |
| | LMBR1 DC-2 | Autosomique dominant | Non porteur |
| Shedding | | | |
| | MC5R g.24430748C>T | Autosomique codominant | Chute de poils abondante |